

李娜, 卢敏枝, 袁丽霞. 基于《畜牧与兽医》期刊的现实图景与热点演进研究 [J]. 畜牧与兽医, 2025, 57 (9): 139-146.

LI N, LU M Z, YUAN L X. Research on the real picture and the evolution of hotspots based on the articles published in the journal *Animal Husbandry & Veterinary Medicine* [J]. *Animal Husbandry & Veterinary Medicine*, 2025, 57 (9): 139-146.

基于《畜牧与兽医》期刊的现实图景与热点演进研究

李娜^{1,2}, 卢敏枝¹, 袁丽霞^{3*}

(1. 南京林业大学人文社会科学学院, 江苏 南京 210037;

2. 北京大学信息管理系, 北京 100871;

3. 南京农业大学《畜牧与兽医》编辑部, 江苏 南京 211800)

摘要: 旨在深入探讨畜牧兽医学科领域近 10 年的研究进展与热点演变。以 2014—2024 年《畜牧与兽医》所发表的 4 063 篇文献为研究对象, 采用 CiteSpace 文献量化分析工具, 对研究现状、热点议题及未来发展趋势进行网络知识图谱的绘制与分析。通过分析期刊的成果产出量、作者分布格局、发文机构、高频关键词、关键词聚类、突现词探测、时间序列图谱以及高被引文献等方面展现出的显著特征, 发现期刊的研究焦点从早期的动物生产性能提升与基础疫病防控, 逐渐扩展至生物技术应用、动物疫病防控及绿色养殖等多元化领域。分析结果: 畜牧兽医学科在响应国家战略需求、解决实际问题的过程中, 不断吸纳前沿科技, 推动研究范式的更新。综上, 《畜牧与兽医》应进一步促进跨学科的融合, 深化基础研究工作, 以为产业的高质量发展提供更为坚实的理论基础。

关键词: 畜牧与兽医; 知识图谱; 可视化分析; CiteSpace

中图分类号: G353 文献标志码: A 文章编号: 0529-5130(2025)09-0139-08

Research on the real picture and the evolution of hotspots based on the articles published in the journal *Animal Husbandry & Veterinary Medicine*

LI Na^{1,2}, LU Minzhi¹, YUAN Lixia^{3*}

(1. Faculty of Social Sciences and Humanities, Nanjing Forestry University, Nanjing 210037, China;

2. Department of Information Management, Peking University, Beijing 100871, China;

3. Editorial Department of Animal Husbandry and Veterinary Medicine, Nanjing Agricultural University, Nanjing 211800, China)

Abstract: To provide a comprehensive analysis of the research landscape and evolutionary trends in *Animal Husbandry & Veterinary Medicine* (AHVM) during 2014–2024, this study employs CiteSpace, a bibliometric visualization tool, to conduct a scientometric analysis of 4 063 articles published in AHVM. The analysis encompasses research profiles, thematic hotspots, and future trajectories through the construction of knowledge domain maps. Key findings reveal distinct characteristics in publication outputs, author collaborations, institutional contributions, high-frequency keywords, keyword clustering, burst detection, temporal visualization, and highly cited literature. Early research in AHVM focused on enhancing animal production performance and basic disease prevention. In recent years, thematic expansion has occurred toward biotechnology applications, advanced animal disease control, and sustainable livestock systems. The results show that the discipline of animal husbandry and veterinary medicine has responded to national strategic priorities and real-world challenges while integrating cutting-edge technologies, fostering paradigm shifts in research approaches. Future directions should emphasize interdisciplinary integration and fundamental research to provide robust theoretical foundations for high-quality industrial development. This study contributes to understanding the disciplinary evolution of AHVM, highlighting its role in addressing societal needs through evidence-based innovation and transdisciplinary scholarship.

Keywords: *Animal Husbandry & Veterinary Medicine*; knowledge graph; visualization analysis; CiteSpace

收稿日期: 2025-05-08; 修回日期: 2025-07-17

基金项目: 国家社会科学基金项目 (20CTQ022)

第一作者: 李娜, 女, 博士, 副教授

* 通信作者: 袁丽霞, 博士, 副编审, 研究方向为科技期刊高质量发展与研究, E-mail: yuanlixia@njau.edu.cn.

畜牧业作为国民经济的重要组成部分，不仅在农业经济中占据着核心地位，而且对于确保国家食物安全和居民生活质量具有战略意义，其现代化进程是农业现代化的显著标志。根据“十四五”规划，畜牧业高质量发展的新布局需加速构建，以期在农业领域率先实现现代化^[1]。畜牧业的高质量发展与畜牧学领域的理论构建和试验研究紧密相关。

《畜牧与兽医》自1935年创刊以来，历经了90年的发展，文献数量持续增长，研究焦点不断演变，其涵盖的领域知识愈发丰富。《畜牧与兽医》致力于展示畜牧兽医学科的最新研究成果、实用技术与典型经验，内容涉及动物遗传繁育、动物饲料与营养、动物疫病预防与防控、临床诊疗、动物环境与卫生、动物福利等多个研究领域。作为畜牧、兽医类期刊的佼佼者，《畜牧与兽医》为我国畜牧兽医科研人员、养殖从业者以及相关领域的专家学者提供了一个交流思想、分享经验的平台，促进了我国畜牧兽医学科的发展和产业技术的进步。

本研究选取中国知网（CNKI）数据库中收录的《畜牧与兽医》2014—2024年发表的论文作为数据源，运用科学计量软件CiteSpace进行知识图谱的绘制。通过分析核心作者和机构及其合作网络、高频关键词及其词频共现，考察畜牧兽医学科发展的阶段性特征、研究热点的变迁与趋势，力求揭示该期刊学术研究的现状和演变过程，以推动我国畜牧学期刊能力建设，进而促进我国畜牧业的高质量发展。

1 数据来源与研究方法

1.1 数据来源

数据采集主要基于中国知网（CNKI）数据库，采用“畜牧与兽医”作为检索关键词，设定时间范围为2014年1月1日至2024年12月31日，执行精确检索以获取研究所需文献，共计检索到4 336篇文献。为确保文献的相关性和数据的可靠性，采取人工逐篇审核的方式，排除了273篇会议简讯、征稿启事、获奖公告等非学术性文献，最终筛选出4 063篇具有研究价值的文献作为数据基础。

1.2 研究方法

运用文献计量学与CiteSpace信息可视化技术，克服了传统文献分析方法主观性和片面性的局限。与人工归纳法相比，CiteSpace借助共现分析和聚类算法构建知识图谱，实现了研究热点的动态可视化，有效提高了阅读文献的效率^[2]。研究重点是通过作者、机构、关键词及其共现、聚类、突变等图谱分析，系统地解析畜牧兽医领域的知识结构。

参数设置遵循科学计量学的规范：时间区间

（time slicing）设定为2014—2024年，切片长度（slice length）为1年；节点类型（node types）包括作者（author）、合作机构（institution）和关键词（keyword）；阈值Top N=25，以优化网络密度；采用寻径网络算法（pathfinder network）剪裁冗余连接，凸显主要知识关联；聚类标签生成采用对数似然率（LLR），时区图谱（timezone view）启用时间线（timeline）以增强趋势辨识。上述参数的组合既保证了数据的完整性，又确保了分析的聚焦性，为研究结论的稳健性提供了技术支撑。

2 《畜牧与兽医》的基本情况分析

2.1 发文量趋势分析

期刊的发文量在一定程度上能够体现其所在学科领域研究活动的活跃程度。如图1所示，2014—2024年间，《畜牧与兽医》的发文量变化趋势显著。2014—2015年期间，期刊的发文量呈波动上升趋势，特别是在2015年6、7和12月期刊发文量均超50篇，期刊年发文量在2015年达到峰值，共计556篇。自2016年起，发文量逐年递减，2024年降至246篇，这与期刊从2017年第1期开始提升为学术类期刊出版发行的定位有关，全部版面均刊登学术性文章，撤销了“简报”栏目，发文量下降，但正文页码从128页扩增到了144页。

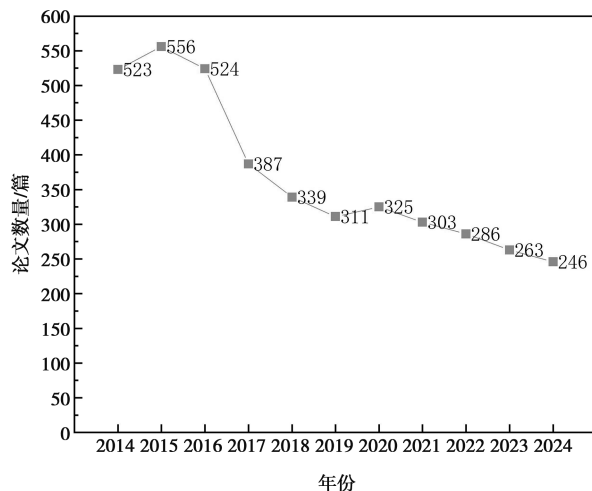


图1 《畜牧与兽医》2014—2024年发文量趋势图

2.2 主要机构分析

在2014至2024年期间，《畜牧与兽医》的发文机构表现出显著的集聚现象。发文量排名前10的机构共贡献了1 110篇文献，占总发文量的33.3%。在这些机构中，所属单位南京农业大学的贡献量最大，其中动物医学院以401篇（12.03%）位居首位，动物科技学院以178篇（5.34%）位列第二，凸显了该

校在畜牧兽医学科领域的核心优势（见表1）。

区域性机构合作网络较为明显（见图2），在机构间的合作关系中，共有453个节点，522个连线，节点密度为0.0051，这表明机构间合作交流程度密切。在江苏省内，形成了以南京农业大学动物医学院、扬州大学兽医学院及江苏农牧科技职业学院、江苏省重要疾病与人兽共患病防控协同创新中心为核心的“四角协作模式”。南京农业大学在其中发挥了显著的带头作用，4个单位在动物疫病防控、遗传育种等领域合作密切；西部地区的新疆农业大学动物医学院与石河子大学动物科技学院则围绕草食动物健康养殖形成了区域性研究集群。就发文量而言，高校类型的机构占据了绝对优势，发挥了研究主体的作用。

表1 《畜牧与兽医》发文量前10的机构

序号	合作机构	发文量/篇	发文量占比/%
1	南京农业大学动物医学院	401	12.03
2	南京农业大学动物科技学院	178	5.34
3	扬州大学兽医学院	91	2.73
4	贵州大学动物科学学院	80	2.40
5	石河子大学动物科技学院	74	2.22
6	江苏农牧科技职业学院	74	2.22
7	江苏省动物重要疫病与人兽共患病防控协同创新中心	56	1.68
8	新疆农业大学动物医学院	50	1.50
9	河北农业大学动物科技学院	49	1.47
10	广西大学动物科学技术学院	46	1.38

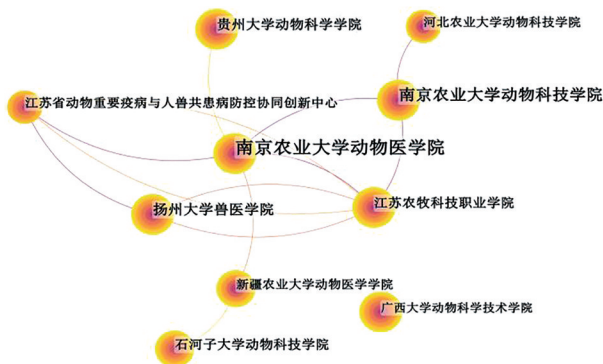


图2 《畜牧与兽医》发文量前10的机构合作关系图

2.3 核心作者分析

研究成果的发表情况是衡量研究领域学术水平和研究动向的重要指标^[3]。根据《畜牧与兽医》的统计数据，2014—2024年间共有616位作者发表文章。依据普莱斯定律，核心作者的判定公式为 $M=0.749(N_{\max})^{1/2}$ ，其中 M 代表作者的最低发文量， N_{\max} 代表

作者的最大发文量。通过计算，发文量不少于5篇的作者被认定为核心作者，616位作者中，共有119位核心作者，占总作者数的19.32%。

在核心作者群体中，南京农业大学的姜平以36篇发文量位居首位，其次是汤德元（24篇）和苏玉虹（20篇），这表明了少数高产作者对期刊的贡献尤为突出。表2展示了《畜牧与兽医》2014—2024年间发文量前10的作者，他们的研究领域主要集中在病毒学与疾病防控、基因编辑与遗传育种、动物疾病诊断、动物营养与肠道健康等方面。

对作者合作网络的分析有助于揭示《畜牧与兽医》核心作者的分布及其合作模式，如图3所示。首先，节点大小和作者姓名大小与发文量呈正相关，节点间连线的颜色表示了核心作者合作的起始时间，颜色越深表示合作开始得越早。例如，汤德元、曾智勇、李达、王洪光等作者组成的学术共同体的合作可追溯至2014年。其次，作者合作网络整体呈现出“核心-边缘”结构，核心作者之间的合作紧密，形成了多个相对稳定的学术共同体，这体现了核心作者在该研究领域的显著引领作用。以汤德元、刘宗平、李平华、姜平等为核心作者的学术共同体，不仅具有一定的合作群体规模，还涵盖了发文量前10的大部分核心作者。

表2 《畜牧与兽医》发文量前10的作者

排序	发文量	首次发文时间	作者
1	36	2014	姜平
2	24	2014	汤德元
3	20	2014	苏玉虹
4	19	2017	刘宗平
5	19	2014	曾智勇
6	15	2016	刘学忠
7	15	2016	黄瑞华
8	15	2014	李达
9	15	2016	李平华
10	15	2014	田玉民

3 研究热点分析

3.1 关键词共现频次及影响力分析

关键词作为文献主题的高度凝练与概括，是获取特定领域研究热点现状与未来发展趋势的重要途径^[4]。关键词的重要性通过其频次和中介中心性等属性得以体现，频次的高低反映了该领域研究的关注度，而中介中心性的高低则揭示了该领域研究对他类研究的影响力。如表3所示，通过对《畜牧与兽医》

且模块划分是合理的。 S 值 (silhouette score) 则用于评价聚类内部的内同质性以及聚类间的区分度, 其取值范围在 $-1 \sim 1$ 之间, 当 S 值大于 0.5 时, 表明聚类结构是合理的, 并且具有较高的内部一致性^[5]。在图 5 中, Q 值为 0.5468 , S 值为 0.8567 , 这表明所划分的聚类效果具有显著性, 聚类标签依次为“生

长性能”“分离”“原核表达”“屠宰性能”“奶牛”“小鼠”“体重”“真核表达”。

为了进一步概括学术界的研究焦点, 本研究将相似的聚类标识词进行了合并, 并结合高频关键词与高中心性关键词进行了综合分析, 从而总结出《畜牧与兽医》研究的主要知识群, 具体如表 4 所示。

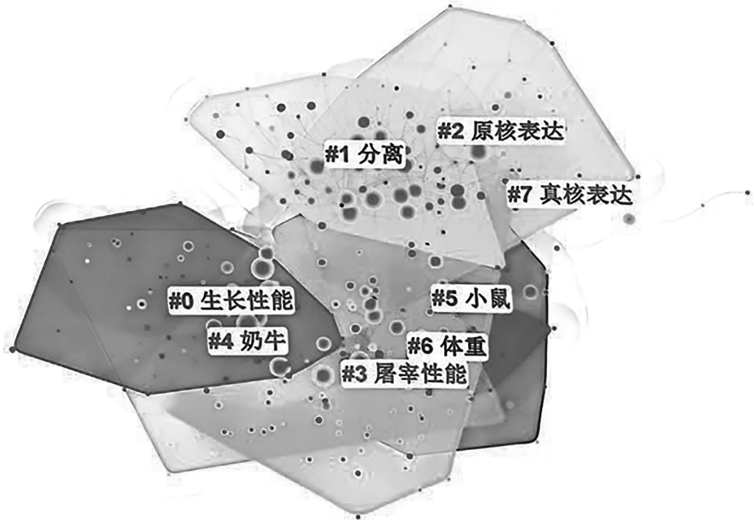


图 5 《畜牧与兽医》关键词聚类图谱

表 4 《畜牧与兽医》主要知识群及其高频关键词

研究主题	节点数	轮廓值	平均年份	主要聚类标签
生长性能	58	0.782	2016	断奶仔猪, 生长性能, 肠道形态, 仔猪, 生产性能
分离	55	0.894	2016	致病性, 耐药基因, 分离, 鉴定, 分离鉴定
原核表达	52	0.82	2016	诊断, 原核表达, 克隆, 治疗, 弓形虫
屠宰性能	47	0.84	2017	湖羊, 屠宰性能, 肉品质, 多态性, 生长性状
奶牛	37	0.881	2017	发情, 繁殖性能, 同期发情, 免疫指标, 奶牛
小鼠	35	0.874	2016	卵母细胞, 大鼠, 小鼠, 应用, 体外培养
体重	22	0.867	2015	体重, 拟合分析, 生长曲线, 体尺, 模型
真核表达	9	0.969	2020	真核表达, 细胞凋亡, 脂多糖, 自噬, 凋亡

3.3 关键词突现图与时区图分析

关键词突现图 (keyword burst detection) 是基于文献计量学中突现检测算法的分析工具, 其通过识别特定时间段内频次显著增长的关键词, 揭示研究热点的动态演变^[6]。其核心参数包括: 突现强度 (strength), 反映关键词频率增长幅度, 强度越高, 表明该主题受关注度越大; 突现起止时间 (begin-end), 标识关键词活跃时段, 用于追踪热点的兴起与消退。

从关键词时区图的整体视角审视, 如图 6 所示, 《畜牧与兽医》呈现出丰富多元的研究图景。关键词

涵盖“生长性能”“屠宰性能”“体重”等传统畜牧生产核心指标, 以及“原核表达”“真核表达”等现代生物技术领域, 还有“奶牛”“小鼠”等特定研究对象, 反映出该期刊既扎根于畜牧生产实际需求, 又紧跟生命科学前沿技术在兽医领域的应用转化。

从研究前沿突显数值来看, 如图 7 所示, 排名前 3 的关键词依次为“调查” (突现强度 8.02), “沙门菌” (突现强度 4.87), “治疗” (突现强度 4.03)。这些关键词的高突现值表明在相应时期内, 畜牧与兽医领域对基础数据收集方法的规范化 (调查)、特定病原体防控 (沙门菌) 以及疾病治疗技术的创新尤

为关注。其后依次是“耐药性”（突现强度 3.38），“蛋品质”（突现强度 4.47），“疫苗”（突现强度

5.6）等，反映了在动物产品质量提升与疾病防控策略优化方面的持续探索。

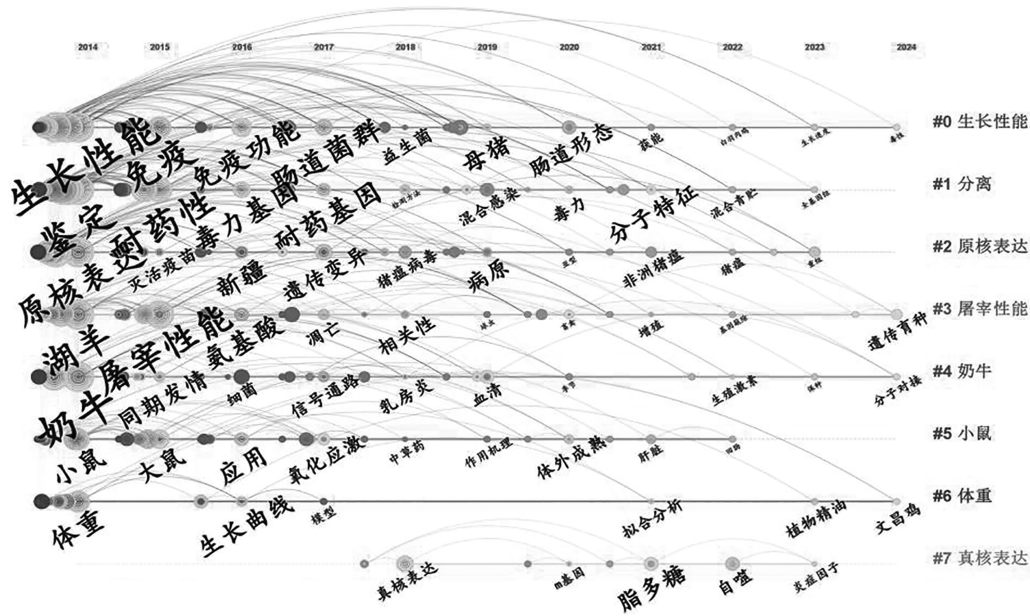


图 6 《畜牧与兽医》关键词时区图谱

关键词	年份	突现强度	开始时间	结束时间	2014—2014
调查	2014	8.02	2014	2016	█
精液	2014	2.89	2014	2015	█
日增重	2014	2.83	2014	2017	█
小尾寒羊	2015	3.29	2015	2016	█
肉牛	2015	3.27	2015	2016	█
精液品质	2015	2.8	2015	2016	█
沙门菌	2014	4.87	2017	2019	█
治疗	2014	4.03	2017	2019	█
体外培养	2017	3.06	2017	2018	█
猪瘟病毒	2018	3.51	2018	2021	█
药敏试验	2014	3.39	2018	2019	█
耐药性	2015	3.38	2018	2022	█
细胞因子	2015	3.28	2018	2020	█
混合感染	2019	4.18	2019	2020	█
耐药基因	2017	3.86	2019	2020	█
肉品质	2015	2.9	2019	2021	█
绵羊	2015	3.25	2020	2021	█
屠宰性能	2015	3.2	2020	2021	█
毒力	2020	3.06	2020	2024	█
凋亡	2017	3.69	2021	2024	█
疫苗	2014	5.6	2022	2024	█
致病性	2015	4.54	2022	2024	█
蛋品质	2014	4.47	2022	2024	█
自噬	2022	3.29	2022	2024	█
病毒复制	2022	2.85	2022	2024	█

图 7 《畜牧与兽医》排名前 25 的关键词突现图谱

从研究前沿形成时间来看，“调查”“精液”“日增重”相关话题研究的起始时间为 2014 年，主要聚

焦畜牧动物生长性能与繁殖效率优化，直接回应畜牧业提质增效的核心需求，而同期“沙门菌”“治疗”等病原体相关研究的突现，也暗示了疫病防控议题的萌芽；紧接着在 2018 和 2019 年间，“猪瘟病毒”“耐药性”“混合感染”等关键词突现，显示动物疫病复杂化趋势，耐药基因检测、毒力分析及细胞凋亡研究的深化，折射出全球抗生素治理与跨学科技术融合的推动^[7]；近年来（2022 年）则涌现“自噬”“病毒复制”等新方向，并伴随“疫苗”“致病性”等议题的强度激增，标志着研究深度已转向病原体分子机制解析与生物技术创新领域^[8]。自噬调控机制与疫苗研发的突破性进展，不仅契合后疫情时代生物安全需求升级，更揭示了动物医学与前沿生物技术交叉融合的潜力。

从研究前沿持续时间来看，“疫苗”一词的研究持续时间最长，从 2014 年起便有关注，直至 2024 年仍保持热度。这源于疫苗作为预防动物传染病的关键手段，其研发与优化对保障畜牧业稳定发展至关重要，且随着病原体变异与养殖环境变化，疫苗研发需不断适应新挑战，故而成为经久不衰的研究主题。

综合分析表明，研究领域的热点议题与高频关键词之间存在紧密的关联性。首先，关键词共现网络图谱揭示了鸡、羊、牛、鼠、猪等研究主题已构建起相对成熟的内容体系；其次，关键词聚类分析图谱显示，该领域已形成以生长性能、原核表达、屠宰性能、奶牛、小鼠、真核表达为核心的知识集群；最后，关键词时区图谱和突现词分析表明，尽管“疫

苗”“自噬”“致病性”等研究热点出现较晚，但它们已经指明了该研究领域未来的发展趋势。

4 《畜牧与兽医》高频文献引用分析

高频文献引用分析通过量化研究文献的被引频次，能够揭示学科领域的学术影响力及知识传承脉络^[9]。本文依据2014—2024年间《畜牧与兽医》相关被引频次进行排序，得到近10年畜牧与兽医研究文献的被引用次数排名，并列引出引用次数排名前10名的研究文献（见表5）。

从学术影响力角度审视，疫病诊断与防控技术相关研究占据较大比重，例如原霖等^[10]于2019年发表的《非洲猪瘟病毒微滴数字PCR检测方法的建立》（被引51次），杨海峰等^[11]于2019年发表的《我国14省市呼吸道综合征患牛冠状病毒感染的检测》（被引47次）以及王继春等^[12]于2015年发表的《猪伪狂犬病活疫苗（Bartha K61株）对变异株的保护效力》（被引61次），此类文章的引用率与我国疫情防控政策、动物疫病净化政策及规模化养殖需求密切相关。此外，众多学者亦关注遗传育种与生物技术、环境健康管理等前沿领域，如宋志芳等^[13]于2017年发表的《全基因组重测序及其在动物育种的研究进展》（被引50次），杨峰等^[14]于2019年发表的《转录组

测序技术在生物学研究中的现状及展望》（被引89次），彰显基因组学技术对传统育种的革新作用。2017年，王佳宁等^[15]发表的《畜禽粪便抗生素残留及其对环境的影响》（被引54次）及2019年，马健等^[16]发表的《畜禽粪便的危害及处理技术》（被引48次）的高引用率，印证畜牧业可持续发展问题已成为学界焦点。

从知识脉络传承角度观察，2015年发表的《猪伪狂犬病活疫苗（Bartha K61株）对变异株的保护效力》（被引61次）及2014年的《2012年国内饲料及原料霉菌毒素污染调查分析》（被引59次）长期占据高位，表明疫病防控与食品安全问题持续受到关注^[12,17]；2021年发表的《环介导等温扩增技术的最新研究进展》（被引51次）及《毛囊发育与周期性生长的调控信号通路研究进展》（被引47次）虽发表时间较晚，但引用频次迅速攀升，反映畜牧兽医领域对分子生物技术的吸纳应用显著加快^[18-19]。

总体而言，高频文献分析揭示，《畜牧与兽医》的研究热点紧密围绕国家战略需求（如疫病防控、绿色发展）与技术前沿（如基因组学），其成果为政策制定与技术转化提供了科学依据。未来需加强跨学科融合，特别是在耐药基因调控与精准营养领域深化探索。

表5 《畜牧与兽医》被引次数排名前10的文献

排名	频次	题目	作者	年份
1	89	转录组测序技术在生物学研究中的现状及展望	杨峰, 车天宇; 米璐, 马丽娜, 谢遇春, 李金泉, 刘志红	2019
2	61	猪伪狂犬病活疫苗（Bartha K61株）对变异株的保护效力	王继春, 曾容愚, Daniel Torrents, Carlos Martinez, 乔永峰, 顾一奇, 柳畅	2015
3	59	2012年国内饲料及原料霉菌毒素污染调查分析	周闯, 何成华, 司慧民, 李荣佳, 张海彬	2014
4	54	畜禽粪便抗生素残留及其对环境的影响	王佳宁, 徐永平, 李晓宇, 陈岩, 张楠, 周通, 曲芳京, 贾藏藏, 王丽丽	2017
5	51	环介导等温扩增技术的最新研究进展	谢佳芮, 寇美玲, 苗海生	2021
6	51	非洲猪瘟病毒微滴数字PCR检测方法的建立	原霖, 董浩, 倪建强, 刘洋, 陈亚娜, 杨林, 宋晓晖, 王传彬	2019
7	50	全基因组重测序及其在动物育种的研究进展	宋志芳, 芦春莲, 曹洪战	2017
8	48	畜禽粪便的危害及处理技术	马健, 洪文娟, 张文杰, 窦晶晶	2019
9	47	毛囊发育与周期性生长的调控信号通路研究进展	刘公言, 白莉雅, 李福昌, 孙海涛, 杨丽萍, 姜文学, 高淑霞	2021
10	47	我国14省市呼吸道综合征患牛冠状病毒感染的检测	杨海峰, 粟灵琳, 王婧, 吴萌, 刘雨微, 潘子豪, 张俊杰	2019

5 总结

近十年，《畜牧与兽医》期刊研究紧跟国家政策与行业现实需求，重点围绕国家产业重大发展需要，

对畜牧兽医领域展开了多方面、持续性的研究，取得了丰硕的研究成果。首先，研究主题从基础生产性能评估（如“日增重”“肉牛”）逐步转向疫病防控技术（如非洲猪瘟检测、耐药性研究）与绿色养殖

管理（如抗生素残留治理），体现了学术研究对国家战略的快速响应。其次，《畜牧与兽医》期刊研究紧跟现实发展需要，呈现鲜明的时代特色。近10年来《畜牧与兽医》持续关注疫病防控、遗传育种、环境与健康管理等议题，特别是在近5年，“疫苗”“致病性”“病毒复制”等关键词频繁出现在学术讨论中，这反映了在全球疫情大背景下，学术界和产业界对生物安全意识的增强，动物疫病预防与控制研究已达到新的研究高度。然而，从研究力量的角度来看，研究机构呈现明显的地域特征，且研究主体分布不均。期刊文献的主要贡献单位为江苏省内高校，其他地区研究贡献度不高，一些主流的研究机构如中国农业科学院也并不是期刊文献的核心贡献单位。从研究内容来看，当前畜牧兽医领域的前瞻性研究较为薄弱，如2024年国际前沿议题畜禽福利及养殖^[20]、农牧系统可持续发展等议题尚未充分覆盖，制约学科全球竞争力^[21]。

在期刊高质量建设背景下，可以从聚焦和突破两个角度开展长期可持续规划。首先，明确发展定位，聚焦新时期问题。在规模化养殖需求逐步满足的背景下，当下研究应紧紧围绕“十四五”规划绿色养殖目标，深化耐药基因调控、智慧养殖及低碳畜牧研究，推动畜牧业可持续、高质量发展。要聚焦新农人兽共患病、养殖业碳中和等现实挑战，强化快速检测技术、建立健全健康治理体系与精准营养调控研究。其次，加强学术合作，突破地域局限。核心机构的深度参与是期刊从“区域性知识载体”升级为“国家战略支撑平台”的关键。期刊需要加强与全国院校的学术交流，通过参会、办会等模式，加强与不同院校、科研院所的交流和宣传，定期精准对一些核心机构进行约稿，构建南北技术互补网络，提升期刊核心竞争力。此外，加强多媒体运营模式，增加网络平台的宣传，构建智慧期刊运营平台，加大期刊的传播力度，不断提升杂志的影响力。

本研究通过CiteSpace统计分析工具，对《畜牧与兽医》2014—2024年间的研究现状和发展趋势进行了梳理，并对关键内容进行了总结分析，构建了知识图谱分析结果。该研究旨在为《畜牧与兽医》的建设与发展提供参考，并对畜牧研究领域的科研选题具有重要的参考价值。

参考文献：

[1] 北京市人民政府. “十四五”全国畜牧兽医行业发展规划[EB/OL].

- (2021-12-14) [2025-03-17]. <https://www.beijing.gov.cn/zhengce/zhengcefagui/qtwj/202204/W020220412413518811800.pdf>.
- [2] 陈悦, 陈超美, 刘则渊, 等. CiteSpace 知识图谱的方法论功能 [J]. 科学学研究, 2015, 33 (2): 242-253.
- [3] 闫伟娜. 我国科普期刊研究的进展、热点与趋势: 基于 CiteSpace 知识图谱的可视化分析 [J]. 中国科技期刊研究, 2024, 35 (2): 163-170.
- [4] 罗坤瑾, 张媛媛, 黎准. 中国公共卫生事件研究的学术场域变迁考察: 基于 CiteSpace 知识图谱的可视化分析 (2000—2019) [J]. 新闻大学, 2021 (5): 22-39, 121-122.
- [5] 陈悦, 陈超美, 胡志刚, 等. 引文空间分析原理与应用 CiteSpace 实用指南 [M]. 北京: 科学出版社, 2014.
- [6] 李杰, 陈超美. CiteSpace: 科技文本挖掘及可视化 [M]. 3 版. 北京: 首都经济贸易大学出版社, 2022: 105.
- [7] WANG N, ZHAO D, WANG J, et al. Architecture of African swine fever virus and implications for viral assembly [J]. Science, 2019, 366 (6465): 640-644.
- [8] GU H, QIU H, YANG H, et al. PRRSV utilizes MALT1-regulated autophagy flux to switch virus spread and reserve [J]. Autophagy, 2024, 20 (12): 2697-2718.
- [9] 庄岩, 刘洋. 近 10 年中国青年研究的现实脉络与热点演进: 基于 CiteSpace 的可视化图谱分析 [J]. 中国青年研究, 2024 (3): 104-111.
- [10] 原霖, 董浩, 倪建强, 等. 非洲猪瘟病毒微滴数字 PCR 检测方法的建立 [J]. 畜牧与兽医, 2019, 51 (7): 81-84.
- [11] 杨海峰, 粟灵琳, 王婧, 等. 我国 14 省市呼吸道综合征患牛冠状病毒感染的检测 [J]. 畜牧与兽医, 2019, 51 (11): 92-96.
- [12] 王继春, 曾容愚, TORRENTS D, 等. 猪伪狂犬病活疫苗 (Bartha K61 株) 对变异株的保护效力 [J]. 畜牧与兽医, 2015, 47 (12): 1-4.
- [13] 宋志芳, 芦春莲, 曹洪战. 全基因组重测序及其在动物育种的研究进展 [J]. 畜牧与兽医, 2017, 49 (11): 145-148.
- [14] 杨峰, 车天宇, 米璐, 等. 转录组测序技术在生物学研究中的现状及展望 [J]. 畜牧与兽医, 2019, 51 (3): 133-138.
- [15] 王佳宁, 徐永平, 李晓宇, 等. 畜禽粪便抗生素残留及其对环境的影响 [J]. 畜牧与兽医, 2017, 49 (10): 140-144.
- [16] 马健, 洪文娟, 张文杰, 等. 畜禽粪便的危害及处理技术 [J]. 畜牧与兽医, 2019, 51 (2): 135-140.
- [17] 周闯, 何成华, 司慧民, 等. 2012 年国内饲料及原料霉菌毒素污染调查分析 [J]. 畜牧与兽医, 2014, 46 (1): 81-84.
- [18] 谢佳芮, 寇美玲, 苗海生. 环介导等温扩增技术的最新研究进展 [J]. 畜牧与兽医, 2021, 53 (2): 119-125.
- [19] 刘公言, 白莉雅, 李福昌, 等. 毛囊发育与周期性生长的调控信号通路研究进展 [J]. 畜牧与兽医, 2021, 53 (1): 125-129.
- [20] HASAN M K, MUN H S, AMPODE K M B, et al. Transformation toward precision large-scale operations for sustainable farming: a review based on China's pig industry [J]. J Adv Vet Anim Res, 2024, 11 (4): 1076-1092.
- [21] 孙巍, 李周晶, 吴蕾, 等. 2024 全球农业研究热点前沿分析解读 [J]. 农学学报, 2025, 15 (3): 1-6.